

## PCR و RFLP ژن ureC (glmM) به منظور تشخیص و تیپ‌بندی سویه‌های هلیکوباکتر پیلوری جداشده از نمونه بیوپسی معده بیماران با ناراحتی‌های گوارشی

محمد رضا نفیسی<sup>۱</sup> PhD، محمد علیپور شادباد<sup>۲</sup> MSc، علی کریمی<sup>۱</sup> PhD، قربانعلی رحیمیان<sup>۳</sup> PhD،  
عباسعلی ایمانی فولادی<sup>\*</sup> PhD

### چکیده

**اهداف.** هلیکوباکتر پیلوری یکی از پاتوژن‌های مهم است که سلول‌های اپی‌تلیال معده را آلوده می‌کند. هدف این مطالعه، بررسی و تیپ‌بندی هلیکوباکتر پیلوری‌های جداشده از نمونه‌های کلینیکی با استفاده از ژن ureC (glmM) بود.

**مواد و روش‌ها.** به منظور تیپ‌بندی هلیکوباکتر پیلوری از روش مولکولی استفاده شد. برای تعیین هتروژنیسته ژنتیکی ۳۷ نمونه هلیکوباکتر پیلوری جداشده از محیط کشت، از روش PCR-RFLP استفاده شد. قطعه ۸۲۰ جفت‌بازی ژن ureC با آنزیم‌های محدودکننده MboI، HhaI هضم شد.

**یافته‌ها.** ۱۱ الگوی مختلف با هضم ناشی از آنزیم MboI و ۸ الگوی مختلف از هضم با آنزیم HhaI مشخص شد. مدل‌های حاصل از ترکیب الگوهای هضم دو آنزیم، ۲۱ الگوی متفاوت به وجود آورد.

**نتیجه‌گیری.** براساس نتایج این مطالعه، ارتباطی بین بیماری‌ها و الگوها وجود ندارد و تنوع ژنتیکی گسترده‌ای بین قطعات مشاهده می‌شود. این موضوع، نویدبخش ایجاد ابزاری کارآمد برای بررسی مولکولی اپیدمیولوژی و بررسی اجداد و پی بردن به منشأ باکتریایی و پراکندگی آن در مناطق مختلف جغرافیایی است.

**کلیدواژه‌ها:** هلیکوباکتر پیلوری، PCR-RFLP، ژن ureC